

RaraSwed			
<b>Registerformulär</b>	<b>Register-id</b>		
2. Genetiska Uppgifter	879		
3. Tilläggsmodul - Modifierande gen	890		
1. Patientregistrering	897		
4. Tilläggsmodul - Digeniska sjukdomar	902		

# Genetiska Uppgifter 879

Variabelid	Variabelnamn	Perioder	Variabeltext på formulär	Värdemängd för rullgardinsmeny	Rad	Kolumn	Variabeltext på söksida
103881	PersonnummerArkiv	2022-12-14 17:20:12 -- 2023-03-22 18:07:14	Personnummer:<font color="#ff0000">*</font>				Personnummer:<font color="#ff0000">*</font>
103882	Genetisk bekräftad	2022-12-14 17:20:12 -->	Har patienten genetiskt bekräftad patogen variant?<font color="#ff0000">*</font>	Ja; Nej; Vet ej	5	2	Har patienten genetiskt bekräftad patogen variant?
103884	Analysmetod1_datum_analysvar	2022-12-14 18:14:31 -->	Datum för analysvar?<font color="#ff0000">*</font>		7	2	Datum för analysvar
103885	Variant	2022-12-14 18:18:43 -->	Variant:<font color="#ff0000">*</font>	Sekvensavvikelse/SNV indel; Strukturell variation; Repeat Expansions; Epigenetisk avvikelse; Avvikelse i mitokondriellt DNA; UPD (uniparentell disomi)	10	1	Variant
103886	Nedarvd	2022-12-14 18:24:24 -->	Nedäravningsgång:<font color="#ff0000">*</font>	Autosomt dominant; Autosomt recessivt; X-bundet; Ej applicerbart; Digenisk; Vet ej	11	1	Nedäravningsgång:
103888	Homozygot	2022-12-14 18:28:51 -- 2023-02-02 10:45:40	Homozygot		0	0	Homozygot
103889	Compound	2022-12-14 18:36:03 -- 2023-02-02 10:45:40	Compound Heterozygot		0	0	Compound Heterozygot
103896	Gen	2022-12-16 15:29:10 -->	Gen:<font color="#ff0000">*</font>		13	1	Gen
103898	NM	2022-12-16 15:44:12 -->	NM:<font color="#ff0000">*</font>		14	1	NM:
103899	sek_snv_1	2022-12-16 15:44:12 -->	Ange sekvensavvikelse:<font color="#ff0000">*</font>		16	1	Ange sekvensavvikelse:
103900	position_snv_1	2022-12-16 15:44:12 -->	Ange genomisk position:		17	1	Ange genomisk position:
103902	Klass_allel1	2022-12-16 15:56:24 -- 2022-12-16 16:27:12, 2023-02-02 15:24:22 -- 2023-02-14 13:58:34, 2023-02-14 14:01:01 -->	Klassifikation:<font color="#ff0000">*</font>	4 - Sannolik patogen; 5 - Patogen	39	1	Klassifikation Allel 1:
103903	Denovo_allel1	2022-12-16 15:56:24 -- 2022-12-16 16:27:12, 2023-02-02 15:24:22 -- 2023-02-14 13:58:34, 2023-02-14 14:01:01 -->	Bedöms förändringen vara de novo:<font color="#ff0000">*</font>	Ja; Nej; Vet ej	40	1	Bedöms förändringen vara de novo:
103929	analys_genomford	2022-12-29 16:48:31 -->	Har genetisk analys genomförts?	Ja; Nej; Vet ej	6	2	Har genetisk analys genomförts
104318	NedarvdTyp	2023-02-02 10:34:13 -->	Autosomt recessivt:<font color="#ff0000">*</font>	Compound Heterozygot; Homozygot	12	1	Autosomt recessivt:<font color="#ff0000">*</font>
104319	variant_2	2023-02-02 15:05:54 -- 2023-02-14 13:58:34, 2023-02-14 14:01:01 -- 2023-02-23 10:46:31, 2023-02-23 13:01:59 -->	Variant:	Sekvensavvikelse/SNV indel; Strukturell variation; Repeat Expansions; Epigenetisk avvikelse; Avvikelse i mitokondriellt DNA; UPD (uniparentell disomi)	42	1	Variant för allel 2:
104320	sekvansav_avvikelse_2	2023-02-02 15:07:53 -- 2023-02-14 13:58:34, 2023-02-14 14:01:02 -->	Ange avvikelse:		43	1	Ange avvikelse:
104321	Klass_allel2	2023-02-02 15:28:27 -- 2023-02-14 13:58:34, 2023-02-14 14:01:01 -->	Klassifikation:<font color="#ff0000">*</font>	4 - Sannolik patogen; 5 - Patogen	44	1	Klassifikation Allel 2:
104322	Denovo_allel2	2023-02-02 15:28:35 -- 2023-02-14 13:58:34, 2023-02-14 14:01:02 -->	Bedöms förändringen vara de novo:<font color="#ff0000">*</font>	Ja; Nej; Vet ej	45	1	Bedöms förändringen vara de novo (allel 2):
104323	Gen_strukturell_2	2023-02-02 15:45:37 -->	Gen av klinisk betydelse:		18	1	Gen av klinisk betydelse (2):
104324	Gen_strukturell_3	2023-02-02 15:45:37 -->	Gen av klinisk betydelse:		19	1	Gen av klinisk betydelse (3):
104325	sek_strukturell	2023-02-02 15:48:18 -->	Ange strukturell avvikelse:<font color="#ff0000">*</font>		21	1	Ange strukturell avvikelse:
104326	ange_repeat_A1_gammal	2023-02-02 15:54:24 -- 2023-05-04 10:29:30	<b>Allel 1:</b> Ange repeat expansions		0	0	<b>Allel 1:</b> Ange repeat expansions
104742	ange_repeat_A2	2023-02-23 10:30:44 -- 2023-05-04 16:27:21	<b>Allel 2:</b> Ange repeat expansions		0	0	<b>Allel 2:</b> Ange repeat expansions
104743	sek_Epi	2023-02-23 10:46:32 -->	Ange avvikelse		24	1	Ange avvikelse (Epigenetisk)
104745	DNAmetylering	2023-02-23 10:47:30 -->	DNA-metylering		26	1	DNA-metylering
104746	Epi_vetej	2023-02-23 10:47:30 -->	Vet ej		26	2	Vet ej
104747	avvikelse_mit	2023-02-23 11:01:27 -->	Ange avvikelse		29	1	Ange avvikelse
104749	het_plasmi	2023-02-23 11:01:27 -->	Heteroplasm		31	1	Heteroplasm
104752	hom_plasmi	2023-02-23 11:04:20 -->	Homoplasm		31	2	Homoplasm
104753	plasmi_vetej	2023-02-23 11:05:21 -->	Vet ej		31	3	Vet ej
104754	metyl_mat_epi	2023-02-23 13:00:12 -->	Maternell allel		28	1	Maternell allel
104756	metyl_pat_epi	2023-02-23 13:00:12 -->	Paternell allel		28	2	Paternell allel
104757	metyl_vetej_epi	2023-02-23 13:00:12 -->	Vet ej		28	3	Vet ej
104765	hetoplasmigrad_vetej	2023-02-23 13:12:38 -->	Vet ej		34	4	Vet ej
104768	upid	2023-02-23 13:28:40 -->	Isodisomi (Upid)		36	1	Isodisomi (Upid)
104769	uphd	2023-02-23 13:28:40 -->	Heterodisomi (Uphd)		36	2	Heterodisomi (Uphd)
104770	UPD_klass_vetej	2023-02-23 13:28:40 -->	Vet ej		36	3	Vet ej
104771	Analysmetod_1	2023-02-23 13:45:18 -->	Vilken analysmetod användes:<font color="#ff0000">*</font>	Helgenom; Helexom; Genpanel; Genomisk array; MLPA; Sangersekvensering; Metyleringsanalys; Kromosomanalys; Annat	47	2	Vilken analysmetod användes:<font color="#ff0000">*</font>
104772	Analysmetod_2	2023-02-23 13:46:10 -->	Vilken analysmetod användes:<font color="#ff0000">*</font>	Helgenom; Helexom; Genpanel; Genomisk array; MLPA; Sangersekvensering; Metyleringsanalys; Kromosomanalys; Annat	53	1	Vilken analysmetod användes:<font color="#ff0000">*</font>

# Genetiska Uppgifter 879

104773	Analysmetod_3	2023-02-23 13:46:15 -->	Vilken analysmetod användes:<font color="#ff0000">*</font>	Helgenom; Helexom; Genpanel; Genomisk array; MLPA; Sangersekvensering; Metyleringsanalys; Kromosomanalys; Annat	59	1	Vilken analysmetod användes:<font color="#ff0000">*</font>
104775	Analysmetod2_datum_analysvar	2023-02-23 14:20:22 -->	Datum för analysvar?<font color="#ff0000">*</font>		52	1	Datum för analysvar
104776	Analysmetod1_antal_gener	2023-02-23 14:30:36 -->	Vid panel hur många gener har analyserats:	1-20; 21-50; 51-100; 101-200; 201-500; 501-1000; >1000; Ej identifierat	48	2	Vid panel hur många gener har analyserats:
104777	Analysmetod2_antal_gener	2023-02-23 14:30:48 -->	Vid panel hur många gener har analyserats:	1-20; 21-50; 51-100; 101-200; 201-500; 501-1000; >1000; Ej identifierat	54	1	Vid panel hur många gener har analyserats:
104778	Analysmetod3_datum_analysvar	2023-02-23 14:31:18 -->	Datum för analysvar?<font color="#ff0000">*</font>		58	1	Datum för analysvar?<font color="#ff0000">*</font><i>Analysmetod 3</i>
104779	Analysmetod3_antal_gener	2023-02-23 14:33:06 -->	Vid panel hur många gener har analyserats:	1-20; 21-50; 51-100; 101-200; 201-500; 501-1000; >1000; Ej identifierat	60	1	Vid panel hur många gener har analyserats:
104781	Analysmetod1_Lab	2023-02-23 15:37:47 -->	Utförande laboratorium	Göteborg; Linköping; Lund; Stockholm; Umeå; Uppsala; Örebro; Privat lab inom Sverige; Lab utanför sverige	50	2	Utförande laboratorium
104782	Blod	2023-02-23 15:51:28 -->	Blod		33	1	Blod
104783	Muskel	2023-02-23 15:51:28 -->	Muskel		33	2	Muskel
104784	Urin	2023-02-23 15:51:28 -->	Urinsediment		33	3	Urinsediment
104785	Bucca	2023-02-23 15:52:10 -->	Buccaskrap		34	1	Buccaskrap
104786	Fibro	2023-02-23 15:52:58 -->	Fibrolaster		34	2	Fibrolaster
104787	Hetroplasmigrad_annat	2023-02-23 15:54:12 -->	Annat		34	3	Annat
104788	Mat_UPD	2023-02-23 15:56:49 -->	Maternell allel		38	1	Maternell allel
104789	Pat_UPD	2023-02-23 15:58:41 -->	Paternell allel		38	2	Paternell allel
104790	UPD_allel_vetej	2023-02-23 15:59:29 -->	Vet ej		38	3	Vet ej
104791	Analysmetod2_Lab	2023-02-23 16:46:56 -->	Utförande laboratorium	Göteborg; Linköping; Lund; Stockholm; Umeå; Uppsala; Örebro; Privat lab inom Sverige; Lab utanför sverige	55	1	Utförande laboratorium
104792	Analysmetod3_Lab	2023-02-23 16:47:23 -->	Utförande laboratorium	Göteborg; Linköping; Lund; Stockholm; Umeå; Uppsala; Örebro; Privat lab inom Sverige; Lab utanför sverige	61	1	Utförande laboratorium
104794	Singel_trio	2023-03-01 11:25:29 -->	Singel/Trio analys:	Singel; Duo; Trio/>3; Vet ej	49	2	Singel/Trio analys:
104797	strukturell_avvikelse_2	2023-03-01 13:33:36 -- 2023-03-01 14:03:51	Ange avvikelse:		0	0	Ange avvikelse:
104798	RPE_avvikelse_2	2023-03-01 13:33:36 -- 2023-03-01 14:03:51	Ange avvikelse:		0	0	Ange avvikelse:
105022	OMIM_stjarna	2023-03-08 11:10:59 -->	Ange OMIM* för gen:<font color="#ff0000">*</font><a id="omim_link"></a>		65	2	Ange OMIM* för gen:<font color="#ff0000">*</font>
105023	Klinisk_symptom	2023-03-08 11:10:59 -->	Har patient kliniska symptom kopplat till sjukdomsorsakande gen:<font color="#ff0000">*</font>	Ja; Nej; Vet ej	66	2	Har patient kliniska symptom kopplat till sjukdomsorsakande gen:<font color="#ff0000">*</font>
105025	orpha_sok	2023-03-08 11:20:21 -->	Sökrua för ORPHA-kod <i>(Engelska)</i>		70	1	Sökrua för ORPHA-kod
105026	orpha	2023-03-08 11:20:21 -->	Ange ORPHA:		71	1	Ange ORPHA:
105027	OMIM_hashtag	2023-03-08 11:20:21 -->	Ange OMIM# för fenotypisk beskrivning:<a id="omim_link_hash"></a>		72	1	Ange OMIM# för fenotypisk beskrivning:
105032	icd10	2023-03-08 12:33:18 -->	ICD-10		75	1	ICD-10
105033	icd11	2023-03-08 12:33:18 -->	ICD-11		75	2	ICD-11
105034	ICD_txt	2023-03-08 12:33:18 -->			76	1	
105035	HPO1	2023-03-08 13:02:54 -->	Ange HPO:		78	2	Ange HPO:
105036	HPO2	2023-03-08 13:02:54 -->	Ange HPO:		79	2	Ange HPO:
105037	HPO3	2023-03-08 13:02:54 -->	Ange HPO:		80	2	Ange HPO:
105038	HPO4	2023-03-08 13:02:58 -->	Ange HPO:		81	2	Ange HPO:
105039	HPO5	2023-03-08 13:03:07 -->	Ange HPO:		82	2	Ange HPO:
105041	bedomning	2023-03-08 13:13:34 -->	Hur gjordes bedömningen av diagnos:	Multidisciplinär konferens; Klinisk genetik; Ange specialistenhet i fritext; Vet ej	85	2	Hur gjordes bedömningen av diagnos:
105042	specialist	2023-03-08 13:13:34 -->	Ange specialistenhet i fritext:		86	2	Ange specialistenhet i fritext:
105043	avvikelse_slakting	2023-03-08 13:13:34 -- 2023-10-24 13:52:43	Har denna avvikelse tidigare identifierats hos patientens biologiska släkting:	Ja; Nej; Vet ej	0	0	Har denna avvikelse tidigare identifierats hos patientens biologiska släkting:
105044	Genetisk_vagledning	2023-03-08 13:13:34 -->	Har patient/vårdnadshavare erhållit genetisk vägledning:	Ja; Nej; Vet ej	87	2	Har patient/vårdnadshavare erhållit genetisk vägledning:
105148	icd_vet_ej	2023-03-09 12:41:32 -->	Vet ej		76	3	Vet ej
105149	omim_hashtag_vet_ej	2023-03-09 12:41:32 -->	Vet ej		72	3	Vet ej
105150	orpha_vet_ej	2023-03-09 12:42:49 -->	Vet ej		71	3	Vet ej
105151	omim_stjarna_vet_ej	2023-03-09 12:43:21 -->	Vet ej		65	4	Vet ej
105161	primarvardPre	2023-03-10 17:28:36 -->	Primärvården		92	2	Primärvården

## Genetiska Uppgifter 879

105162	primarvardPost	2023-03-10 17:28:43 -->	Primärvården		92	5	Primärvården
105163	specialistvardPre	2023-03-10 17:29:38 -->	Specialistvården		92	1	Specialistvården
105164	specialistvardPost	2023-03-10 17:30:29 -->	Specialistvården		92	4	Specialistvården
105165	kliniskGenetikPre	2023-03-10 17:30:44 -->	Klinisk Genetik		93	1	Klinisk Genetik
105166	kliniskGenetikPost	2023-03-10 17:31:28 -- 2023-03-10 20:32:53,	Klinisk Genetik		93	4	Klinisk Genetik
105167	veEjPre	2023-03-10 17:31:47 -->	Vet ej		93	2	Vet ej
105168	veEjPost	2023-03-10 17:32:30 -->	Vet ej		93	5	Vet ej
105169	datumPre	2023-03-10 17:34:48 -->	Datum (åååå-mm)		94	1	Datum (åååå-mm)
105170	datumPost	2023-03-10 17:34:48 -->	Datum (åååå-mm)		94	4	Datum (åååå-mm)
105240	Personnummer	2023-03-22 18:04:02 -->	Personnummer<font color="#ff0000">*</font>		2	2	Personnummer<font color="#ff0000">*</font>
105667	trinukleotid_repeat_A1	2023-05-04 09:06:24 -- 2023-05-04 09:24:03, 2023-05-04 09:27:16 -->			22	4	Trinukleotid (RPE allel 1):
105668	intervall_rep_A1	2023-05-04 09:12:58 -- 2023-05-04 09:24:03, 2023-05-04 09:27:16 -->			22	3	Intervall för antal repetitioner (RPE allel 1):
105669	antal_rep_RPE_A1	2023-05-04 09:15:04 -->			22	1	Antal repetitioner (RPE allel 1):
105707	antal_rep_RPE_A2	2023-05-04 16:20:34 -->			23	1	Antal repetitioner (RPE allel 2):
105708	intervall_rep_A2	2023-05-04 16:21:36 -->			23	3	Intervall för antal repetitioner (RPE allel 2):
105709	trinukleotid_repeat_A2	2023-05-04 16:21:45 -->			23	4	Trinukleotid (RPE allel 2):
106026	Remitterande_vardenhet	2023-06-27 11:06:56 -->	Remitterande vårdenhet		3	2	Remitterande vårdenhet
106027	Remitterande_klinik	2023-06-27 11:06:56 -->	Remitterande klinik		4	2	Remitterande klinik
106209	dokumenterad_klinisk_diagnos	2023-07-03 12:53:25 -->	Datum när klinisk diagnos dokumenterades:		84	2	Datum när klinisk diagnos dokumenterades:
106211	kommentar	2023-07-06 15:42:29 -->	Kommentarsfält:		97	2	Kommentarsfält:
106212	NM_vetej	2023-07-06 15:50:22 -->	Vet ej		14	3	Vet ej
106469	analysbestallare_informerad	2023-08-28 11:27:21 -- 2023-08-28 11:28:21, 2023-08-28 12:26:34 -->	Ja		96	4	Ja

## Tilläggsmodul - Modifierande gen 890

Variabelid	Variabelnamn	Perioder	Variabeltext på formulär	Värdemängd för rullgardinsmeny	Rad	Kolumn	Variabeltext på söksida
104154	Analysmetod	2023-01-26 09:37:02 -->	Vilken analysmetod användes?<font color="#ff0000">*</font>		6	1	Vilken analysmetod användes?<font color="#ff0000">*</font>
104155	datum_resultat	2023-01-26 09:37:02 -- 2023-03-17 14:40:31	Datum för analysvar? <font color="#ff0000">*</font>		0	0	Datum för analysvar? <font color="#ff0000">*</font>
104156	Variant	2023-01-26 09:37:02 -->	Variant:<font color="#ff0000">*</font>		7	1	Variant:<font color="#ff0000">*</font>
104157	textNedäravningsgång	2023-01-26 09:37:02 -- 2023-03-14 12:41:50	Nedäravningsgång:*		0	0	textNedäravningsgång
104160	homozygot	2023-01-26 09:43:10 -- 2023-02-23 09:13:34	Homozygot:		0	0	Homozygot
104161	Compund	2023-01-26 09:44:27 -- 2023-02-23 09:13:34	Compund Heterozygot:		0	0	Compund
104162	Gen	2023-01-26 09:49:06 -->	Gen:<font color="#ff0000">*</font>		8	1	Gen:<font color="#ff0000">*</font>
104165	struktur	2023-01-26 09:49:07 -- 2023-03-14 12:41:50	Ange strukturell avvikelse:*		0	0	struktur
104166	avvikelse	2023-01-26 09:49:07 -- 2023-03-14 12:41:50	Ange avvikelse:*		0	0	struktur
104168	modGen	2023-01-26 09:51:26 -->	Gen:<font color="#ff0000">*</font>		13	1	modGen
104169	ant_kopior	2023-01-26 09:51:26 -- 2023-03-22 17:57:48	Antal kopior:		0	0	ant_kopior
104170	modAvvikelse	2023-01-26 09:51:26 -->	Ange avvikelse:		14	1	modAvvikelse
104741	NedarvdTyp	2023-02-23 09:18:34 -- 2023-03-14 12:41:50	Autosomalt recessivt:<font color="#ff0000">*</font>		0	0	Autosomalt recessivt:<font color="#ff0000">*</font>
105222	datum_analys_svar	2023-03-17 14:40:31 -- 2023-06-30 13:30:19	Datum för analysvar? <font color="#ff0000">*</font>		0	0	Datum för analysvar? <font color="#ff0000">*</font>
105223	Personnummer	2023-03-17 14:44:06 -->	Personnummer:<font color="#ff0000">*</font>		3	1	Personnummer:<font color="#ff0000">*</font>
105238	antal_kopior	2023-03-22 17:57:48 -->	Antal kopior:<font color="#ff0000">*</font>		13	2	Antal kopior:<font color="#ff0000">*</font>
106206	datum_analys	2023-06-30 13:27:29 -->	Datum för analysvar? <font color="#ff0000">*</font>		5	1	Datum för analysvar? <font color="#ff0000">*</font>

## Patientregistrering 897

Variabelid	Variabelnamn	Perioder	Variabeltext på formulär	Värdemängd för rullgardinsmeny	Rad	Kolumn	Variabeltext på söksida
105205	Fornamn	2023-03-17 09:56:13 -->	Förnamn		7	1	Förnamn
105206	postnr	2023-03-17 09:56:15 -->	Postnr		9	2	postnr
105207	deadDate	2023-03-17 09:56:17 -->	Avliden datum		10	2	Avliden datum
105209	pnr	2023-03-17 09:56:21 -->	Personnummer<font color="#ff0000">*</font>		4	2	Personnummer (ååååmmdd-nnnn)
105212	Efternamn	2023-03-17 09:56:28 -->	Efternamn		7	2	Efternamn
105213	Bostadsort	2023-03-17 09:56:29 -->	Bostadsort		9	1	Bostadsort
105214	AvlidenBox_txt	2023-03-17 09:56:31 -->	Avliden?		10	1	AvlidenBox_txt
105242	kon	2023-03-22 18:57:40 -->	Kön:		8	1	Kön:
106024	C_O_address	2023-06-09 10:43:30 -- 2023-08-28 11:20:37	C/O-address		0	0	C/O-address

Tilläggsmodul - Digeniska sjukdomar 902

Variabelid	Variabelnamn	Perioder	Variabeltext på formulär	Värdemängd för rullgardinsmeny	Rad	Kolumn	Variabeltext på söksida
106195	Personnummer	2023-06-30 09:12:16 -->	Personnummer:<font color="#ff0000">*</font>		2	2	Personnummer:<font color="#ff0000">*</font>
106196	Analysmetod	2023-06-30 09:12:16 -->	Vilken analysmetod användes?<font color="#ff0000">*</font>		7	1	Vilken analysmetod användes?<font color="#ff0000">*</font>
106197	Variant	2023-06-30 09:12:16 -->	Variant:<font color="#ff0000">*</font>		9	1	Variant:<font color="#ff0000">*</font>
106198	Gen	2023-06-30 09:12:17 -->	Gen:<font color="#ff0000">*</font>		11	1	Gen:<font color="#ff0000">*</font>
106201	datum_analys_svar_txt	2023-06-30 09:12:18 -- 2023-06-30 09:18:01	Datum för analysvar?<font color="#ff0000">*</font>		0	0	Datum för analysvar?<font color="#ff0000">*</font>
106205	datum_analys_svar	2023-06-30 09:17:01 -->	Datum för analysvar?<font color="#ff0000">*</font>		6	1	Datum för analysvar?<font color="#ff0000">*</font>
106228	Variant_digen	2023-08-01 18:01:42 -->	Variant:<font color="#ff0000">*</font>	Sekvensavvikelse/SNV indel; Strukturell variation; Repeat Expansions; Epigenetisk avvikelse; Avvikelse i mitokondriellt DNA; UPD (uniparentell disomi)	18	1	Variant
106230	Gen_digen	2023-08-01 18:42:25 -->	Gen:<font color="#ff0000">*</font>		21	1	Gen
106232	NM_digen	2023-08-01 18:42:25 -->	NM:<font color="#ff0000">*</font>		22	1	NM
106234	sek_snv_1_digen	2023-08-01 18:42:25 -->	Ange sekvensavvikelse:<font color="#ff0000">*</font>		24	1	Ange sekvensavvikelse:
106235	position_snv_1_digen	2023-08-01 18:42:25 -->	Ange genomisk position:		25	1	Ange genomisk position:
106236	Klass_allel1_digen	2023-08-01 18:42:25 -->	Klassifikation:<font color="#ff0000">*</font>	4 - Sannolik patogen; 5 - Patogen	53	1	Klassifikation Allel 1:
106237	Denovo_allel1_digen	2023-08-01 18:42:25 -->	Bedöms förändringen vara de novo:<font color="#ff0000">*</font>	Ja; Nej; Vet ej	54	1	Bedöms förändringen vara de novo:
106241	Gen_strukturell_2_digen	2023-08-02 16:15:30 -- 2023-08-23 13:30:48	Ev. ytterligare gen av klinisk betydelse (2):		0	0	Gen av klinisk betydelse (2):
106242	Gen_strukturell_3_digen	2023-08-02 16:15:30 -- 2023-08-23 13:30:48	Ev. ytterligare gen av klinisk betydelse (3):		0	0	Gen av klinisk betydelse (3):
106247	sek_strukturell_digen	2023-08-02 16:23:43 -->	Ange strukturell avvikelse:<font color="#ff0000">*</font>		30	1	Ange strukturell avvikelse:
106248	NM_vetej_digen	2023-08-02 16:40:36 -->	Vet ej		22	3	Vet ej
106249	antal_rep_RPE_A1_digen	2023-08-02 16:40:36 -->			32	1	Antal repetitioner (RPE allel 1):
106251	intervall_rep_A1_digen	2023-08-02 16:40:36 -->			32	3	Intervall för antal repetitioner (RPE allel 1):
106252	trinukleotid_repeat_A1	2023-08-02 16:40:36 -->			32	4	Trinukleotid (RPE allel 1):
106254	antal_rep_RPE_A2	2023-08-02 16:40:36 -->			33	1	Antal repetitioner (RPE allel 2):
106256	intervall_rep_A2_digen	2023-08-02 16:44:21 -->			33	3	Intervall för antal repetitioner (RPE allel 2):
106257	trinukleotid_repeat_A2	2023-08-02 16:44:21 -->			33	4	Trinukleotid (RPE allel 2):
106259	sek_Epi_digen	2023-08-02 16:50:36 -->	Ange avvikelse		35	1	Ange avvikelse
106262	DNAmetylering_digen	2023-08-02 16:50:36 -->	DNA-metylering		37	1	DNA-metylering
106263	Epi_vetej_digen	2023-08-02 16:51:28 -->	Vet ej		37	2	Vet ej
106265	metyl_mat_epi_digen	2023-08-02 16:53:50 -->	Maternell allel		39	1	Maternell allel
106266	metyl_pat_epi_digen	2023-08-02 16:53:50 -->	Paternell allel		39	2	Paternell allel
106267	metyl_vetej_epi_digen	2023-08-02 16:53:50 -->	Vet ej		39	3	Vet ej
106268	avvikelse_mit_digen	2023-08-02 17:10:25 -->	Ange avvikelse		41	1	Ange avvikelse (Mitokondriellt)
106270	het_plasmi_digen	2023-08-02 17:10:25 -->	Heteroplasm		43	1	Heteroplasm
106271	hom_plasmi_digen	2023-08-02 17:10:25 -->	Homoplasm		43	2	Homoplasm
106272	plasmi_vetej_digen	2023-08-02 17:10:25 -->	Vet ej		43	3	Vet ej
106274	Blod_digen	2023-08-02 17:13:28 -->	Blod		45	1	Blod
106275	Muskel_digen	2023-08-02 17:13:28 -->	Muskel		45	2	Muskel
106276	Urin_digen	2023-08-02 17:13:28 -->	Urinsediment		45	3	Urinsediment
106277	Bucca_digen	2023-08-02 17:13:29 -->	Buccaskrap		46	1	Buccaskrap
106278	Fibro_digen	2023-08-02 17:13:29 -->	Fibrolaster		46	2	Fibrolaster
106279	Hetroplasmigrad_annot_digen	2023-08-02 17:13:29 -->	Annat		46	3	Annat
106280	hetroplasmigrad_vetej_digen	2023-08-02 17:13:29 -->	Vet ej		46	4	Vet ej
106282	upid_digen	2023-08-02 17:51:46 -->	Isodisomi (Upid)		49	1	Isodisomi (Upid)
106283	uphd_digen	2023-08-02 17:51:46 -->	Heterodisomi (Upd)		49	2	Heterodisomi (Upd)
106284	UPD_klass_vetej_digen	2023-08-02 17:51:46 -->	Vet ej		49	3	Vet ej
106286	Mat_UPD_digen	2023-08-02 17:53:24 -->	Maternell allel		51	1	Maternell allel
106287	Pat_UPD_digen	2023-08-02 17:53:24 -->	Paternell allel		51	2	Paternell allel
106288	UPD_allel_vetej_digen	2023-08-02 17:53:24 -->	Vet ej		51	3	Vet ej
106290	Nedarvd	2023-08-02 18:09:16 -->	Nedäravningsgång:<font color="#ff0000">*</font>		10	1	Nedäravningsgång:
106292	Analysmetod_1_digen	2023-08-02 18:22:57 -->	Vilken analysmetod användes:<font color="#ff0000">*</font>	Helgenom; Helexom; Genpanel; Genomisk array; MLPA; Sangersekvensering; Metyleringsanalys; Kromosomanalys; Annat	57	2	Vilken analysmetod användes:<font color="#ff0000">*</font>
106293	Analysmetod1_antal_gener_digen	2023-08-02 18:22:57 -->	Vid panel hur många gener har analyserats:	1-20; 21-50; 51-100; 101-200; 201-500; 501-1000; >1000; Ej identifierat	58	2	Vid panel hur många gener har analyserats:
106294	Singel_trio_digen	2023-08-02 18:22:57 -->	Singel/Trio analys:	Singel; Duo; Trio/>3; Vet ej	59	2	Singel/Trio analys:
106296	OMIM_stjarna_digen	2023-08-02 18:22:57 -->	Ange OMIM* för gen:<font color="#ff0000">*</font><a id="omim_link"></a>		62	2	Ange OMIM* för gen:<font color="#ff0000">*</font>
106297	omim_stjarna_vet_ej_digen	2023-08-02 18:22:57 -->	Vet ej		62	4	Vet ej